

一种大量提取纯化 SPP1-DNA 的简便方法

郑文尧

(中国科学院微生物研究所,北京)

自从 Silvano 等^[1]于 1969 年发表了关于枯草杆菌噬菌体 SPP1 及其 DNA 的研究论文后,十几年来有关 SPP1 及其 DNA 的研究日渐深入^[2,5]。本文介绍一种简便而大量提取该噬菌体 DNA 的方法,该法在对 Silvano 等人的方法予以改进和简化之后,避免了使用昂贵的药品氯化铯和超速离心机,从而使噬菌体 SPP1 的效价达到了一定的高度,便于获得大量的 SPP1-DNA。

材料和方法

(一) 菌株和噬菌体

枯草芽孢杆菌(*Bacillus subtilis*) MCB 以及噬菌体 SPP1,均由董可宁同志从德意志联邦共和国浮兹堡大学微生物遗传学研究所带回。

(二) 培养基

1. 液体培养基(g/l):蛋白胨 10,酵母膏 5,氯化钠 0.5, pH 7.5, 15 磅 30 分钟灭菌,接种前分别加入已预先灭过菌的 1M $MgSO_4 \cdot 7H_2O$, 10ml, 0.1M $MnSO_4 \cdot H_2O$, 1ml 和硫胺素 5mg。

2. 测定噬菌体效价用培养基:底层用上述培养基加 1.5—2% 琼脂,上层用上述培养基加 1% 琼脂。

(三) 试剂

Sephadex 2B 为瑞典 Pharmacia 产, EcoRI 参照 Greene 等^[6]方法加以改进后制备, BamHI 参照 Wilson 等^[7]方法加以改进后制备, Pst 生物物理所生化试剂厂产, λ -DNA 参照叶盛钰等^[3]方法制备, 质粒 DNA pBR322, pBR325 由张其玖同志惠赠。

(四) SPP1-DNA 的分离纯化

1. 菌体的培养和噬菌体 SPP1 的增殖、分离: 将枯草杆菌(MCB)在 Bpy 斜面上活化二

代,然后接入 100ml 液体培养基中,在 30~37°C 振荡培养过夜作为种液,接入内装 3000ml 液体培养基的 6l 玻璃发酵罐,温度控制在 37°C, 通气量为 8l/min, 搅拌转速为 800rpm, 培养至对数生长期, 接入噬菌体 SPP1 悬液(噬菌体与枯草杆菌之比为 3:1), 于 37°C 条件下继续培养至发酵液 $A_{580nm} \approx 0$, 在发酵液中加 5~10 滴氯仿, 继续搅拌 30 分钟, 然后离心除去菌体和菌体碎片(5000rpm 30 分钟), 参照叶盛钰等^[3]方法将上清液加氯化钠至 3%, 聚乙二醇-6000 至 8%, 置于 4°C 冰箱过夜, 4000 rpm 离心 20 分钟, 收集沉淀, 将沉淀悬浮于 50 ml TBT 缓冲液(0.1 M Tris-HCl pH 7.5, 0.1 M NaCl, 0.01 M $MgCl_2$), 再于 4000rpm 离心 10 分钟, 取上层悬浮液定溶, 加蔗糖至 20%, 装预先用 TBT 缓冲液平衡过的 Sephadex 2B 柱(5cm × 100cm), 用相同的缓冲液洗脱, 分部收集, 第一个紫外吸收峰为噬菌体 SPP1。

2. SPP1-DNA 的提取: 将所收集的 SPP1 噬菌体样品加等体积饱和水的酚(用 Tris 调 pH 至 8.0)抽提二次, 弃去酚层。氯仿:异戊醇(24:1)抽提一次, 乙醚抽提二次除酚, 水相对 0.1 M Tris-HCl pH 7.5, 0.01 M Na_2 -EDTA 缓冲液透析, 即得噬菌体 SPP1-DNA, 其浓度参照北京大学生物化学教研室^[4]方法测定。

(五) SPP1-DNA 及 λ -DNA 等的酶切图谱

于每一反应体积中加相应的酶解反应液 30 μ l, 分别加 λ SPP1-DNA、质粒 DNA 和 λ DNA 1 μ g, 再分别加入相应的 EcoRI、BamHI 及 Pst 10 个酶活单位, 于 37°C 恒温水浴中保持二

董可宁同志提供菌种和噬菌体, 张其玖同志惠赠质粒 DNA; 贾盘兴同志对本文提出宝贵意见,在此一并致谢。

小时后,加10μl含有20mM Na₂-EDTA的溴酚蓝终止液,于1%琼脂糖凝胶上电泳过夜。琼脂糖凝胶用EB染色后于荧光灯下观察结果。

结果与讨论

1. 本试验中,枯草杆菌在接种后1.5小时即进入对数生长期,接入噬菌体SPP1后3小时A_{380nm}数值明显下降,6小时后已降至0.05。说明菌体已全部被噬菌体SPP1所裂解。

2. 噬菌体SPP1之悬浮液经Sephadex G-200柱层析后,出现二个紫外吸收峰,第一个峰即噬菌体SPP1,第二个峰主要是枯草杆菌的RNA(图1),从图1中可以看出噬菌体SPP1同枯草杆菌的RNA被严格区分开,经酚抽提后的收获率为每升发酵液28.6mg DNA。

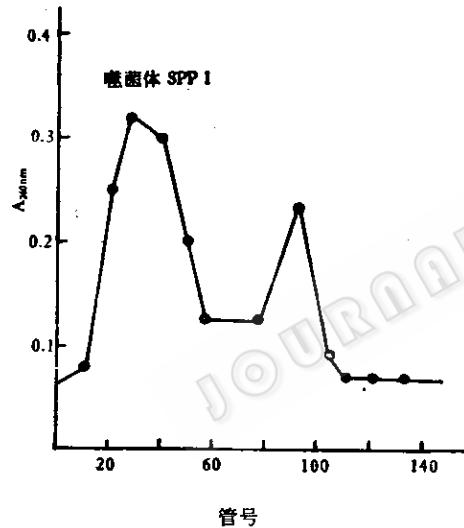


图1 Sephadex G-200洗脱紫外吸收分布曲线

3. 用上述方法提纯的SPP1-DNA, 经过EcoRI酶切后进行琼脂糖凝胶电泳分析, 证明被纯化的SPP1-DNA不含有任何杂质(染色体DNA和RNA)。在琼脂糖凝胶电泳图谱上SPP1-DNA只有清晰的一条带, 经过EcoRI酶解之后, 所呈现出来的区带与Ratcliff等^[5]的结果是完全一致的(图2)。

从图2可以看到质粒DNA pBR 322的EcoRI和BamHI之酶解图谱, 其区带在2.23Md和2.97Md之间, 分子量是2.88Md。质粒

pBR325的BamHI酶解区带在3.35Md与3.87Md之间, 分子量是3.56d。通过以上两种已知分子量的质粒DNA同SPP1 DNA的EcoRI酶切图谱以及λDNA的PstI酶切图谱的比较, 可以证明SPP1 DNA的EcoRI酶切片段作为标准分子量测定其他未知分子量的DNA是准确可靠的。

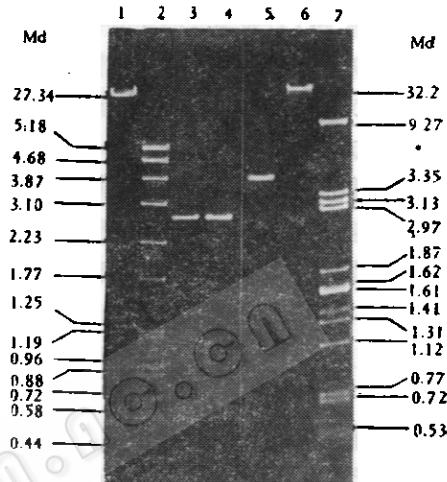


图2 SPP1-DNA、λDNA的限制性内切酶酶解图谱

1. SPP1 DNA
2. SPP1 DNA + EcoRI
3. pBR 322 + EcoRI
4. pBR322 + BamHI
5. pBR325 + BamHI
6. λDNA
7. λDNA + PstI

从表1我们可以看出T₅、SPP1、Fd、M13和λ等五种DNA中, 用限制性内切酶酶解片段作为标准分子量时各有其特点和优越性, 但都有一定的局限性。T₅ DNA之Hind III和λDNA之PstI酶解片段其分子量由小到大比较广泛, 但T₅ DNA 0.92 Md以下之分子量只有二个片段, 而λDNA之PstI酶解片段, 第一与第二片段之间间隙太大, 空缺较多。λDNA之EcoRI酶解片段只有六条带, 对2.30 Md以下的分子量是无法测定的。Fd DNA和M13 DNA对测定一些较小分子量的片段是适用的, 而大于1.66 Md以上的则无法测定。另外Hind III和Hae III等内切酶一般都是依赖国外进口, 国内生产目前还不能满足需要。SPP1 DNA其EcoRI酶解片段分子量虽然偏低, 但对一般质粒DNA来说是比较适宜的, 其所用EcoRI是

表 1 标准 DNA 片段分子量一览表

片段 No	λ DNA + PstI Mdal	T_1 DNA + HindIII Mdal	SPP1DNA + EcoRI Mdal	FdDNA + HaeIII Mdal	M13DNA + HaeIII Mdal	λ DNA + EcoRI Mdal
1	9.27	11.20	5.18	1.650	1.66	14.32
2	3.35	10.30	4.60	1.023	0.92	4.96
3	3.13	9.28	3.87	0.547	0.56	3.85
4	2.97	8.70	3.10	0.237	0.20	3.72
5	1.87	7.90	2.23	0.191	0.20	3.20
6	1.62	7.16	1.77	0.108	0.10	2.30
7	1.61	4.70	1.25	0.068	0.094	
8	1.41	4.53	1.19	0.066	0.068	
9	1.31	3.38	0.96	0.042	0.045	
10	1.12	3.25	0.88			
11	0.77	2.70	0.72			
12	0.72	2.60	0.58			
13	0.53	1.66	0.44			
14	0.34	1.54	0.32			
15	0.31	1.37	0.25			
16	0.30	0.92				
17	0.22	0.56				
18	0.18	0.20				
19	0.16					
20	0.14					

目前国内、外使用最广泛，价格最便宜，最易得到的限制性内切酶。尤其是在目前国内限制性内切酶和标准 DNA 品种为数不多的情况下，使用 SPP1 DNA 的 EcoRI 酶切片段作为标准分子量来使用有一定的优越性。在测定一个未知的 DNA 时，如果能够同时使用二种以上标准分子量的 DNA 进行比较，使用相等或比较相近的片段做为分子量的测量依据是最为理想的。

1968.

- [2] Morelli G. et al.: *Molec. Gen. Genet.*, **164**: 93—97, 1978.
- [3] 叶盛钰等: 生物化学与生物物理进展, 1980 年, 第四期, 第 61—62 页。
- [4] 北京大学生物系生物化学教研室: 生物化学实验指导, 人民教育出版社, 1982 年, 第 133—135 页。
- [5] Ratcliff, S. W. et al.: *Molec. Gen. Genet.*, **168**: 165—172, 1979.
- [6] Greene, P. J. et al.: *Methods Mol. Biol.*, **7**: 87—111, 1974.
- [7] Wolson, G. A. et al.: *J. Mol. Biol.*, **97**: 123—125, 1975.

参 考 文 献

[1] Silvano Riva et al.: *J. Mol. Biol.*, **35**: 347—356,