

## 琼胶酶研究进展\*

杜宗军 王祥红 李筠 陈吉祥

(中国海洋大学海洋生命学院 青岛 266003)

**摘要:** 琼胶酶是一种多糖水解酶, 根据降解琼脂糖的作用方式不同, 可以分为 $\alpha$ -琼胶酶(EC3.2.1.-)和 $\beta$ -琼胶酶(EC3.2.1.81)。文中从琼胶酶的分类及酶活测定、酶的来源、产酶微生物的酶系及酶学性质、琼胶酶的分子生物学研究、酶的应用几个方面综述了琼胶酶的研究进展。

**关键词:** 琼胶, 海洋细菌, 琼胶酶, 工具酶

**中图分类号:** Q93      **文献标识码:** A      **文章编号:** 0253-2654(2003)01-0064-04

琼胶(琼脂)由琼脂糖(agarose)和琼脂胶(agarpectin)组成, 琼脂糖是由(1→3)-O- $\beta$ -D-半乳糖和(1→4)-O-3, 6-内醚- $\alpha$ -L-半乳糖交替组成的线形链状分子; 琼脂胶由复杂的长短不一的半乳糖残基的多糖链组成, 其中包含有多种取代基如硫酸基、甲基等, 对于其结构的具体细节还不是很清楚。天然琼胶主要存在于某些海藻的细胞壁中, 琼胶酶能够水解琼胶多糖, 在这些海藻的单细胞分离、酶解破壁制备原生质体等过程中具有重要的使用价值, 是一种海藻遗传工程的工具酶; 同时, 琼胶酶在分子生物学方面也多有应用。因此, 琼胶酶的研究具有重要的理论意义和应用价值。文中从琼胶酶的分类及酶活测定、酶的来源、产酶微生物的酶系及酶学性质、酶的应用几个方面综述了琼胶酶的研究进展。

### 1 琼胶酶的分类及酶活测定

Sugano<sup>[1]</sup>根据琼胶酶降解琼脂糖的作用方式不同, 而把它们分为两类: $\alpha$ -琼胶酶(EC3.2.1.-), 作用于琼脂糖的 $\alpha$ (1→3)糖苷键, 产物为琼胶寡糖, 以3, 6-内醚- $\alpha$ -L-半乳糖作为还原性末端; $\beta$ -琼胶酶(EC3.2.1.81)水解D-半乳糖残基和3, 6-内醚- $\alpha$ -L-半乳糖残基之间的 $\beta$ (1→4)糖苷键, 产生的琼胶寡糖以D-半乳糖残基作为还原性末端。琼胶酶活力的测定一般利用测定还原力的方法, 即测定产物中还原性末端的产生量, 常用的方法有Somogyi法和Dyrgert法等。

### 2 琼胶酶的来源

微生物来源的琼胶酶主要来自于细菌, 一部分细菌是从河流、土壤和污水中分离得到的, 但能够产生琼胶酶的微生物主要来自海洋细菌。由于琼胶被降解, 这些细菌的菌落周围会出现凹陷或液化。Agbo和Moss<sup>[2]</sup>把这些能够降解琼胶的细菌分为两大类: 第一类细菌在平板上生长时, 分泌的胞外琼胶酶能够使琼胶平板松软(soften), 在菌落周围产生凹陷; 第二类细菌分泌的琼胶酶能够使平板崩解直至完全液化(liquefied)。

\* 达尔文计划资助项目(No.162/8/065)

收稿日期: 2001-12-03, 修回日期: 2002-02-08

1993年, Potin<sup>[3]</sup>等分离出第一种产 $\alpha$ -琼胶酶的细菌并进行了深入研究。研究者们已经分离出多种可以产生 $\beta$ -琼胶酶的细菌,许多菌株产生的 $\beta$ -琼胶酶有两个共同特点,一是酶作用最适pH在中性或微酸性,二是酶作用最适温度高于40℃。然而Yasushi sugano<sup>[1]</sup>等从弧菌JT0107中分离出一种新 $\beta$ -琼胶酶,酶作用最适温度为30℃,最适pH在8左右。另外,尽管不同菌株 $\beta$ -琼胶酶功能相似,但酶蛋白分子量呈现出多样性。

Oscar Leon<sup>[4]</sup>等研究了一株从San Vicente海湾的海水中分离得到的交替单胞菌(*Alteromonas* sp. C-1),在底物琼胶的诱导下,它能产生高水平的琼胶酶,但如果以葡萄糖或半乳糖作为唯一碳源时,琼胶酶的产量则急剧下降。Ghadi<sup>[5]</sup>等也报道了从印度近海筛选琼胶降解细菌的情况,他们提出了一个新方法,在聚丙烯酰胺凝胶电泳时,利用卢哥氏碘液对琼胶酶进行定位。2001年,I Hassairi<sup>[6]</sup>等对交替单胞菌(*Alteromonas agarytis* GJ1B)发酵培养条件进行了研究,利用琼胶作为碳源,研究了其分批培养、补料分批培养和连续培养的情况,在连续培养过程中,稀释率为0.03h<sup>-1</sup>时,流出的发酵液中 $\alpha$ -琼胶酶活力可达0.9U/mL,他们还研究了发酵液用中空纤维微孔滤膜分离的情况。

海洋软体动物的消化液中含有复杂的多糖水解酶系,其中包括琼胶酶、藻胶酶、纤维素酶等,这些多糖水解酶类是由生活在其消化道中的细菌产生的。

### 3 微生物琼胶酶的酶系及其酶学性质

研究者们已经分离纯化出了多种海洋细菌产生的琼胶酶,并对其酶学性质进行了研究。

1983年,L M Morrice<sup>[7]</sup>等对大西洋假单胞菌(*Pseudomonas atlantic*)产生的琼胶酶系进行了深入的研究。他们发现,大西洋假单胞菌不仅具有分泌于细胞外的 $\beta$ -琼胶酶I,还有一种连接在细胞膜上的 $\beta$ -琼胶酶II,它们共同作用,可以水解琼脂糖和某些带有取代基的琼脂糖。经过硫酸铵沉淀、Sephadex G100凝胶层析等步骤, $\beta$ -琼胶酶I被提纯了670倍,凝胶电泳显示为一条带,其分子量为32 kD,此酶作用的最适pH为7.0,在pH 3.0~9.0范围内对琼脂糖有降解作用,在低于30℃时稳定。 $\beta$ -琼胶酶II得到了部分纯化,其最适pH范围在6.5~7.5,在Na<sup>+</sup>、Ca<sup>++</sup>、Mg<sup>++</sup>存在时,能明显提高其活力。

1990年,T Aoki<sup>[8]</sup>等分离出一株弧菌(*Vibrio* sp. AP-2),它产生的琼胶酶是 $\beta$ -琼胶酶,经过硫酸铵沉淀和多种凝胶层析步骤, $\beta$ -琼胶酶被提纯328倍,在聚丙烯酰胺凝胶电泳时呈现单一一条带。酶分子量为20 kD,最适pH在5.5,pH稳定范围在4.0~9.0,低于45℃时酶活性保持稳定。这种 $\beta$ -琼胶酶可作用于琼胶和长链的琼胶寡糖,对 $\kappa$ -卡拉胶无水解作用。

1992年Oscar Leon<sup>[4]</sup>等筛选出一株交替单胞菌(*Alteromonas* sp. C-1)并提纯了其胞外琼胶酶,酶活收率为45%。此酶是 $\beta$ -琼胶酶,酶分子量为52 kD,最适pH在6.5,低于45℃时酶活性保持稳定。盐离子对它有抑制作用,0.1mol/L的Na<sup>+</sup>、K<sup>+</sup>和NH<sub>4</sub><sup>+</sup>都会使酶活降到50%以下,这是比较特殊的一点。

1993年Yasushi sugano<sup>[1]</sup>等提纯了弧菌(*Vibrio* sp. JT0107)的胞外琼胶酶,提纯倍数为45倍,酶分子量为107 kD,此酶是内切 $\beta$ (1→4)琼胶酶,酶作用最适温度为30℃,最适pH在8左右,它没有藻胶酶活性,也不能水解卡拉胶。

1998年,Jorge vera<sup>[9]</sup>等从南太平洋近岸分离出一株可降解琼胶的革兰氏阴性细菌,

经鉴定为 *Pseudoalteromonas antarctica* Strain N-1。它产生的胞外琼胶酶被提纯 125 倍, 达到电泳纯, 酶活收率为 44%, 此酶是  $\beta$ -琼胶酶, 酶分子量为 33 kD, 最适 pH 在 7.0, 在 30℃ 以下酶活性保持稳定, 在不高于 0.5 mol/L 的  $\text{Na}^+$  存在的条件下, 不会影响其活性。

相比之下, 仅有少数几种  $\alpha$ -琼胶酶得到研究和报道。1993 年, Potin<sup>[3]</sup> 等分离纯化出第一个  $\alpha$ -琼胶酶, 所用菌种是交替单胞菌 *Altermonas agarlytics* GJ1B。此酶被提纯, 在 SDS-PAGE 电泳显示为一条带, 据此测得其分子量为 180 kD, 然而通过亲和层析得到的酶经过 Native 电泳显示其分子量为 360 kD, 表明此酶是一个二聚体。它的等电点约为 pH 5.3, 最适作用 pH 在 7.2, 在 pH 6.0 ~ 9.0 范围内酶活性较高, 酶活性依赖于  $\text{Ca}^{++}$  的存在, 长时间处于低于 pH 6.5 或高于 45℃ 条件下, 都会导致酶活性的丧失。

#### 4 琼胶酶的分子生物学研究

迄今为止, 有少数几种琼胶酶的基因得到了克隆和定序。1987 年, Buttner M J<sup>[10]</sup> 等报道了天蓝色链霉菌 (*Streptomyces coelicolor* A3 (2)) 的琼胶酶基因 *dagA* 的序列。1989 年, Robert Belas<sup>[11]</sup> 报道了大西洋假单胞菌 (*Pseudomonas atlantica*) 编码产生  $\beta$ -琼胶酶的 *agrA* 基因。*agrA* 基因的 DNA 序列已经测定, 共有 1,515 对碱基对。通过其碱基对序列预测其蛋白质一级结构为 504 个氨基酸残基构成, 分子量为 57,486D。把这个推理得出的大西洋假单胞菌产生的  $\beta$ -琼胶酶蛋白质的氨基酸序列同天蓝色链霉菌 A3 (2) 的  $\beta$ -琼胶酶蛋白质结构比较, 结果表明它们有几个共同的功能域。1993 年, Yasushi Sugano<sup>[12]</sup> 等从弧菌 JT0107 的基因组克隆了 *agaA* 基因, 共有 2985 对碱基对, 编码产生的琼胶酶 0107 有 975 个氨基酸残基, 分子量为 105,271 D, 并且测得其 N 末端有一段 20 个氨基酸残基组成的信号肽。把推测出的琼胶酶 0107 的氨基酸序列同天蓝色链霉菌和大西洋假单胞菌编码产生的  $\beta$ -琼胶酶蛋白质结构比较, 发现它们有两个共同的功能域。把 *agaA* 基因克隆到大肠杆菌中并得到表达, 分泌出的蛋白 AgaA 具有琼胶酶活性。

#### 5 琼胶酶的应用研究

**5.1 用作海藻酶解的工具酶** 由于琼胶是某些红藻细胞壁的重要组成成分, 因此琼胶酶可用作大型海藻酶解的工具酶, 来获得单细胞或原生质体。海藻原生质体可用于海藻细胞生理生化的研究, 也可以进行细胞间的融合以及进行目的基因的导入, 因此, 琼胶酶可用作海藻遗传工程的工具酶。

用酶法分解大型海藻来获取单细胞, 是比较理想的方法。过去所用的海藻解壁酶多是从海洋动物消化系统中分离制备的, 动物源的海藻解壁酶是一种复合酶, 琼胶酶是其中的主要成分之一。从海洋动物中提取海藻解壁酶要受到诸多条件的限制, 难以进行大规模生产。因此, 开发微生物源的海藻解壁工具酶, 具有重要应用价值。

Araki T<sup>[13]</sup> 等利用海洋弧菌 (*Vibrio* sp. PO-303) 生产的琼胶酶, 配合纤维素酶及其他酶种, 水解红藻获得大量海藻单细胞。海藻单细胞可以作为替代饵料用于海水动物的养殖。贝类育苗通常是以天然单细胞藻类作为饵料, 但在现代化大规模工厂化育苗中, 单细胞藻类远不能满足需要。戴继勋等应用海藻解壁酶从大型海藻中分离单细胞, 用作替代饵料投喂扇贝, 扇贝发育完全正常。<sup>[14]</sup>

**5.2 在分子生物学方面的应用** 利用琼胶酶从琼脂糖凝胶中回收 DNA 和 RNA, 已经被证明是最好的方法之一。Y Sugano 利用弧菌 (*Vibrio* sp. Strain JT0107) 产生的  $\beta$ -琼胶酶

进行了从琼脂糖凝胶电泳中回收 DNA 的研究。<sup>[1]</sup> 目前, 已经有成熟的技术方法进行 DNA 的回收: 琼胶酶 5000U/mL, -20℃冰箱保存。PCR 产物利用高等级低融点琼脂糖进行电泳, 切下感兴趣的条带, 将其放入小管里融化 (温度一般在 65℃~70℃), 冷却 30s, 加入适量琼胶酶 (每 100μL 凝胶加入 1.5μL 琼胶酶), 40℃左右保温直至琼脂糖完全液化, DNA 样品即可放入冰箱备用。

**5.3 用于海藻多糖结构的研究** 用琼胶酶水解某些海藻的多糖, 测定其水解产物的结构, 进而推测多糖的结构, 是行之有效的方法。Lora M Morrice<sup>[15]</sup> 等利用大西洋假单胞菌生产的高纯度  $\beta$ -琼胶酶降解紫菜聚糖, 然后用 NMR 光谱法测定其降解产物结构, 从而推知紫菜聚糖的结构。

**5.4 用于琼胶寡糖的制备** 近年来, 寡糖由于具有多种生理功能而倍受关注。海藻多糖, 如褐藻胶、琼胶、卡拉胶等, 一定分子量的降解产物具有抗肿瘤、抗病毒、增强免疫等作用。天然多糖因其粘度高、溶解性低, 影响了其在医药中的应用。已经有报道用  $\beta$ -琼胶酶处理英国江蓠 (*Gracilaria verrucosa*) 水溶性多糖级分 GWS 和条斑紫菜多糖 PASF, 使其粘度降低, 可溶性增加, 活性增强。另外, 琼胶寡糖在食品生产中应用前景广阔, 如可用于饮料、面包的生产及低热量食品, 近年来, 在日用化工领域也发现了琼胶寡糖的一些新用途。

## 参 考 文 献

- [1] Sugano Y, Terada I, Arita M, et al. Applied and Environmental Microbiology, 1993, **59** (5): 1549~1554.
- [2] Agbo J A C, Moss M O. J Gen Microbiol, 1979, **115**: 355~368.
- [3] Potin P, Richard C, Rochas C, et al. Eur J Biochem, 1993, **214**: 599~607.
- [4] leon O, Quintana L, Peruzzo G, et al. Applied and Environmental Microbiology, 1992, **58** (12): 4060~4063.
- [5] Ghad S C, Muraleedharan U D, Jawaid S. Journal of Marine Biotechnology, 1997, **4/5**: 194~200.
- [6] Hassairi I, Amar R B, Nonus M, et al. Bioresource Technology, 2001, **79**: 47~51.
- [7] Morrice L M, Mclean M W, Williamson F B, et al. Eur J Biochem, 1983, **135**: 553~558.
- [8] Aoki T, Araki T, Kitamikado M. Eur J Biochem, 1990, **187**: 461~465.
- [9] Vera J, Alvarez R, Murano E, et al. Applied and Environmental Microbiology, 1998, **64** (11): 4378~4383.
- [10] Buttner M J, Fernley I M, Bibb M J. Mol Gen Genet, 1987, **209**: 101~109.
- [11] Belas R. Journal of Bacteriology, 1989, **171** (1): 602~605.
- [12] Sugano Y, Matsumoto T, Kodama H, et al. Applied and Environmental Microbiology, 1993, **59** (11): 3750~3756.
- [13] Araki T, Lu Z, Morishita T. Journal of Marine Biotechnology, 1998, **6** (3): 193~197.
- [14] Dai J X, Wang H, Han B Q, et al. Marine Biotechnology, 2000, **2** (1): 1~4.
- [15] Morrice L M, Mclean M W, Long W F, et al. Eur J Biochem, 1983, **133**: 673~684.