

# 硫霉素生物合成酶基因克隆的研究

李戎锋 王以光 曾应

(中国医学科学院医药生物技术研究所, 北京 100050)

利用NTG诱变从硫霉素产生菌中获得了生物合成阻断变株Y<sub>3</sub>。通过对Y<sub>3</sub>变株原生质体形成、再生条件及DNA转化的研究, 初步建立了以变株为受体的克隆系统, 以pIJ680为载体, 从硫霉素产生菌*S. cattleya*中鸟枪克隆, 获得了能使Y<sub>3</sub>变株恢复产生硫霉素的酶基因。根据对Y<sub>3</sub>积累的中间产物的分析, 认为该酶基因可能与硫霉素生物合成过程中肽的环化作用有关。重组质粒分子大小为9.8kb左右, 插入片段大小为4.5kb, 分子杂交试验证明插入片段来源于硫霉素产生菌*S. cattleya*。

**关键词** 硫霉素; 生物合成酶基因; 阻断变株; 克隆受体系统。

硫霉素(thienamycin)是一种具有碳青霉烯结构的β-内酰胺类抗生素<sup>[1]</sup>, 在临幊上具有潜在的应用价值。但是, 硫霉素分子中游离的氨基可以使硫霉素本身发生氨解作用, 因此, 它的化学性质极不稳定, 从而影响了在临幊上的应用。近年来抗生素生物合成酶基因克隆的研究进展迅速<sup>[2-5]</sup>, 但目前尚无关于硫霉素生物合成酶基因克隆的报道。

## 材料与方法

### (一) 材料

1. 硫霉素产生菌(*S. cattleya*)、绿脓杆菌11(*Pseudomonas aeruginosa*11)、肺炎杆菌Kp(*Klebsiella pneumoniae*)、金黄色葡萄球菌209p(*Staphylococcus aureus*)由本所提供的。变铅青链霉菌(*S. lividans* TK24(SM<sup>R</sup>))由D.A.Hopwood教授提供。

2. pIJ680 质粒载体由 D.A.Hopwood教授提供。

3. *S. cattleya*种子培养采用改良的SGGP培养基, 组成为(%):

tryptone 0.4; yeast extract 0.4; casamino acid 0.4; MgSO<sub>4</sub>·7H<sub>2</sub>O 0.05; glucose 1; K<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub> 0.136; pH 7.0—7.2。

*S. cattleya*发酵培养基(%): glucose 1.5, soluble starch 4.5, soybean meal 1.5, corn steep liquor 1.5, KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub> 0.025, K<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub> 0.06, CoCl<sub>2</sub>·6H<sub>2</sub>O 0.0002, pH 7.0。

4. 硫链丝菌素(thio)由美国Squibb & Son公司提供。PEG1000为Koch-light公司产品。微晶纤维素为美国Merck公司产品。 $\alpha$ -<sup>32</sup>P-dCTP为信通公司产品。

### (二) 方法

1. DNA分离、提取及操作、原生质体的制备及DNA转化: 基本按照D.A.Hopwood<sup>[6]</sup>方法及产品说明进行。

DNA探针的标记根据试剂盒说明进行。印迹杂交和斑点杂交按Sambrook等所述方法<sup>[7]</sup>进行。

2. 菌种培养及发酵: *S. cattleya*的一般培养采用改良SGGP培养基, 自斜面

本文于1991年12月28日收到。

接种，容量为50ml/250ml三角瓶，经30℃，200r/min旋转摇床培养48h，以1/10体积转种发酵培养基，容量为100ml/500ml三角瓶。30℃，200r/min旋转摇床发酵72h后进行活性测定。

3. 诱变：参照Ikon Kotima<sup>[8]</sup>的方法，将孢子悬液在pH9.0, 0.05mol/L Tris-马来酸缓冲液中以终浓度1.5mg/ml的NTG, 37℃条件下处理30min, 经洗涤，稀释后涂布SGGP培养基。

4. 生物活性测定：无活性阻断变株用固体挖块法和发酵液杯碟法检出。诱变孢子培养72—96h后，挑单菌落至SGGP斜面，30℃培养72h直接挖块进行生物活性测定，无活性菌株经纯化、复试，以与*S. cattleya*相同的条件进行发酵，发酵液同时在绿脓杆菌11、肺炎杆菌Kp和金黄色葡萄球菌209p检定培养基上进行活性测定。

5. 产物的分离、纯化和分析：发酵液经冷冻离心，上清液用28%NH<sub>4</sub>OH调至pH7.0，冷冻干燥浓缩，加入1/2体积冷丙酮混合，离心后在微晶纤维素层析板上以乙醇:水(70:30)为流动相进行层析，收集产物部分，溶于水，冷冻干燥，得纯品。

纸层析条件与薄层层析相同。

HPLC用Waters 590高压液相仪，C<sub>18</sub>反相柱，流动相为5%甲醇的0.01mol/L pH7.0磷酸缓冲液，流速1ml/min，用279nm紫外光检测。

6. 环化酶反应的测定：分别将p6BC12和pIJ680的变链青霉菌TK24接种至含25μg/ml thio的SGGP培养基中，容量为50ml/250ml三角瓶，30℃旋转摇床72h。*Y<sub>s</sub>*变株接种SGGP培养基，容量为50ml/250ml三角瓶，30℃旋转摇床72h后，以1/10体积转种发酵培养基，发酵

72h。将发酵液分别与含p6BC12和pIJ680的培养液等体积混合，30℃旋转摇床12h。以 $Y_s$ 、pIJ680和p6BC12为对照，杯碟法进行活性测定。

## 结果与讨论

### (一) 基因克隆受体系统的建立

1. 无活性阻断变株的筛选：比较不同条件下NTG对*S. cattleya*孢子的诱变效果(表1)，在所采用的实验条件下最适条件为pH9.0, 0.05mol/L Tris-马来酸缓冲液，终浓度为1.5mg/ml的NTG, 37℃作用30min。共得到9株无活性阻断变株( $X_2$ 、 $Y_s$ 、53、166、167、227、231、235、305)经5代以上传代无回复突变，它们对3株检定菌均无活性，均为光秃型。

表1 不同条件下NTG对*S. cattleya*孢子诱变结果

Table 1 Results of mutagenesis of *S. cattleya* spores by NTG treatment in different conditions

pH	NTG (mg/ml)	Treatment time (min)	Survival rate (%)	Mutagenic rate (%)
9.0	1.5	30	0.225	0.72
		60	0.1	0.35
6.0	1.5	30	50	NT
		60	20	NT
Control	—	—	100	NT

2. 变株原生质体形成和再生条件的研究：变株在含不同浓度的甘氨酸的SGGP培养基中生长18—24h，用不同浓度溶菌酶处理，结果表明，在含0.6%甘氨酸的SGGP中生长，以终浓度为2mg/ml的溶菌酶，37℃处理90—120min原生质体的形成情况最好。

比较变株原生质体在不同再生培养基上的再生情况，发现只有在SGGP中加入10.3%蔗糖形成的高渗培养基上变株原生

质体可以获得较好的再生。再生培养基的含水量对变株原生质体的再生无显著影响，变株原生质体的再生率差异较大（表2）。

表2 变株原生质体的再生率

Table 2 Regenerative rate of block mutant protoplast

Protoplast (No.)	167	231	235	Y <sub>3</sub>	305
Regenerative rate (%)	17.7	4.7	8.0	8.0	0.2

3. 变株作为DNA转化受体条件的研究：167和Y<sub>3</sub>变株原生质体对thio的抗性水平进行了测定，它们对thio的最高耐受浓度分别为20μg/ml、2μg/ml。

以变株235为代表研究了Koch-light和Sigma两公司生产的PEG1000在25%和50%两种浓度下对pIJ680 DNA转化的影响，发现Koch-light公司的PEG1000在25%浓度下，DNA转化率最高。

在较高温度下对原生质体进行处理可以削弱链霉菌体内对外源DNA的限制作用<sup>[8]</sup>。对167和Y<sub>3</sub>变株在一定温度下处理10min后，进行再生菌落计数，发现167变株在45℃，Y<sub>3</sub>变株在40℃处理后再生率无显著下降。经处理的原生质体DNA转化率明显高于未经处理的原生质体（表3）。

表3 热处理变株原生质体对DNA转化的影响

Table 3 Effects of heat treatment of mutant protoplast on DNA transformation

Protoplasts	Y <sub>3</sub>	167
Transformation rate (No./μg DNA)	Before treatment	$0.5 \times 10^2$ $1.0 \times 10^2$
	After treatment	$5.0 \times 10^2$ $8.0 \times 10^2$

## （二）硫霉素生物合成酶基因的克隆

1. 生物合成酶基因的克隆：链霉菌质粒载体pIJ680经BamHI酶切得到线性载体，用CIAP处理。插入片段为S. cattleya总体DNA经MboI随机部分切割的片

段，经T4 DNA连接酶连接后，用0.4μg DNA转化Y<sub>3</sub>原生质体，从再生平板上共得到50个thio抗性转化子，DNA转化率为 $2 \times 10^2$ /μgDNA。全部转化子在含5μg/ml thio的SGGP斜面上培养96h，采用固体挖块法检出具有生物活性的转化子，再经纯化、复试，最后筛选出稳定的耐thio转化子12号。

对12号等转化子进行质粒小量提取，电泳后未能观察到质粒。将12号转化子总体DNA转化变铅青链霉菌TK24原生质体，得到抗性转化子，DNA转化率为 $2.5 \times 10^3$ 。经质粒提取，全部得到分子大小为9.8kb的质粒，命名为p6BC12。p6BC12经BamHI酶切后，共得到4个片段，其中一个片段大小与pIJ680相同，另3个片段大小分别为3.4kb, 0.66kb, 0.43kb（图1）。

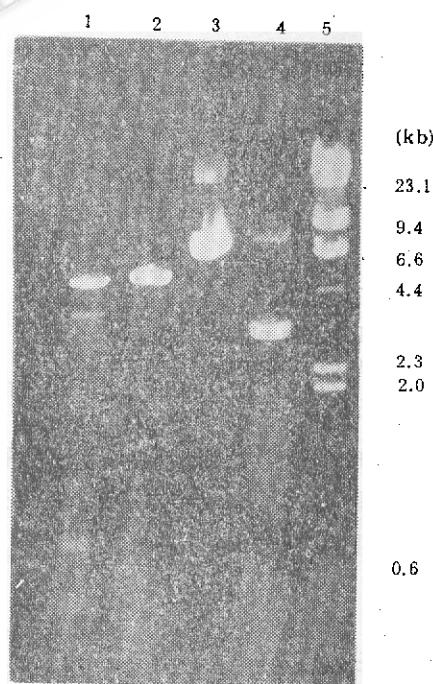


图1 p6BC12 BamHI酶切分析  
Fig.1 BamHI digestion analysis of p6BC12  
1. p6BC12/BamHI, 2. pIJ680/BamHI  
3. p6BC12, 4. pIJ680  
5. λDNA/HindIII

以pIJ680为探针，与12号转化子总体DNA和p6BC12进行分子杂交，结果见图2，12号转化子总体DNA及p6BC12与pIJ680均杂交。因此可以证明，12号转化子中存在有p6BC12重组质粒，可能由于拷贝数低而未能在电泳中观察到。

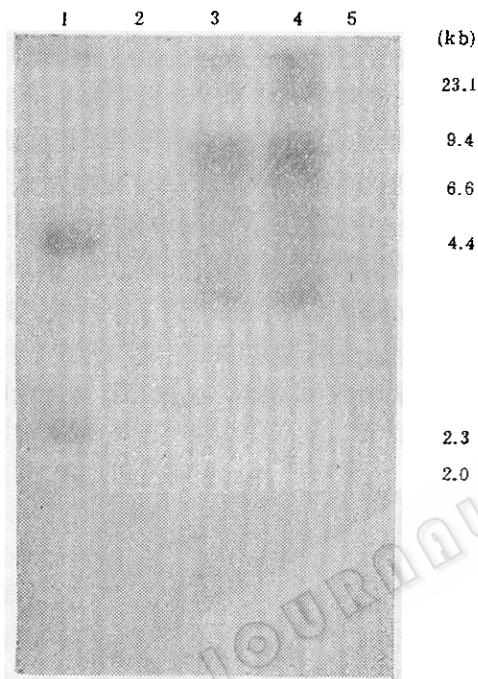


图2 以pIJ680为探针的分子杂交结果

Fig.2 Southern hybridization of p6BC12 DNA with pIJ680 as a probe

1. pIJ680 as a control; 2. Total DNA of  $Y_3$  mutant; 3. Total DNA of transformant No.12; 4. p6BC12; 5. Total DNA of *S.cattleya*

以p6BC12中4.5kb插入片段为探针，与产生菌*S.cattleya*总体DNA进行斑点杂交，证实4.5kb外源片段来源于*S.cattleya*。

2. 12号转化子发酵产物的分析：12号转化子进行的固体挖块和液体发酵液生物活性检定的结果表明，它的产物对3株检定菌都有生物活性，这与 $Y_3$ 变株不同。12号转化子产物的发酵周期与硫霉素基本相同(数据从略)。12号转化子对thio的抗

性水平达到20 $\mu$ g/ml。

12号转化子产物经纯化后进行纸层析，用茚三酮溶液喷雾和生物显迹进行分析，结果表明，12号产物的Rf值与硫霉素是一致的，与 $Y_3$ 变株的产物不同(图3，图4)。



图3 12号转化子产物纸层析的生物显迹

Fig.3 Bioactivity identification of product of No. 12 transformant

- (1) Product of  $Y_3$  mutant
- (2) Product of transformant No. 12
- (3) Thienamycin

高压液相分析表明，12号产物与硫霉素的保留时间是一致的(图5)。

因此，12号转化子的产物是硫霉素，它的产生是由于p6BC12上携带的外源基因弥补了 $Y_3$ 变株的基因缺失，使 $Y_3$ 变株恢复了产生硫霉素的能力，说明p6BC12上的外源基因与硫霉素的生物合成有关。

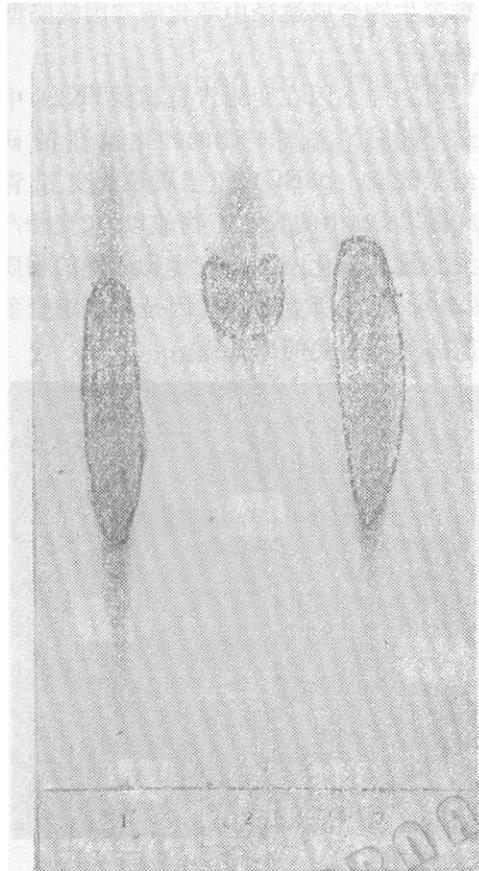


图4 12号转化子产物纸层析的茚三酮喷雾显迹

Fig.4 Ninhydrin spray identification of product of No.12 transformant

1. Product of  $Y_3$  Mutant
2. Product of No.12 transformant
3. Thienamycin

3. 克隆基因的分析：为确定所克隆基因的性质，须对  $Y_3$  变株在硫霉素生物合成中的阻断部位进行研究。根据以往的研究<sup>[10,11]</sup>，硫霉素生物合成途径中第一个具有生物活性的中间物碳青霉烯（carbopenem）是由多肽经环化后形成的，该反应由环化酶催化。而且  $Y_3$  变株产物茚三酮反应呈阳性，因此对  $Y_3$  变株中间产物的分析是以多肽或氨基酸为目的。

将1克  $Y_3$  变株产物纯品在浓盐酸中水解后，以甲醇：丙酮：水（2:2:1）为流动

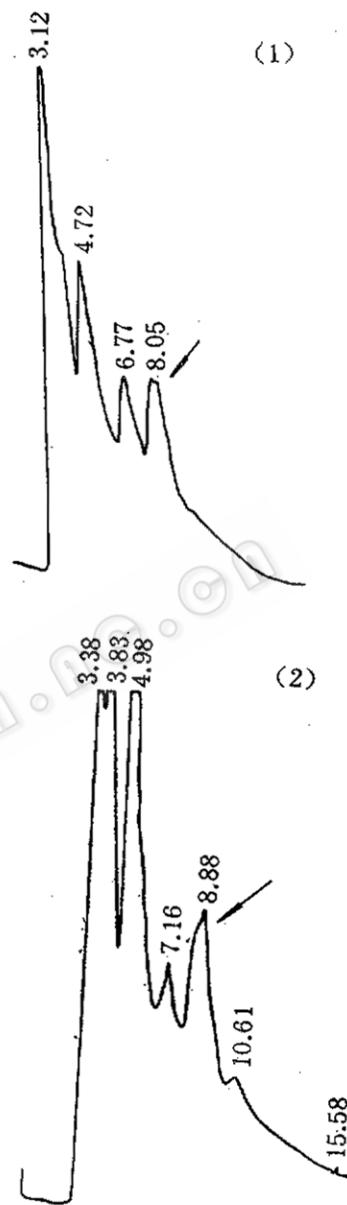


图5 12号转化子产物的HPLC分析

Fig.5 HPLC analysis of product of No.12 transformant

- (1) Product of  $Y_3$  mutant
- (2) Thienamycin

相进行纸层析，茚三酮喷雾显迹，结果见图6。 $Y_3$  变株产物水解后，产生4种  $R_f$  值不同的物质。因此，可以认为  $Y_3$  变株中间产物可能是一个多肽。根据报道的有



图6  $Y_3$ 变株中产物水解后的茚三酮喷雾显迹

Fig.6 Ninyhydrin spray identification of intermediate product of  $Y_3$  mutant hydrolysis by HCl  
 1. Gln, 2. Cys, 3. Glu, 4. Gly  
 5. Product of  $Y_3$  mutant hydrolyzed by HCl 6.  $Y_3$  product

关于硫霉素生物合成途径研究,  $Y_3$ 可能是

硫霉素生物合成途径中环化酶基因缺陷型变株。

对克隆基因在变铅青链霉菌TK24中表达产物对 $Y_3$ 变株产物的转化活性的研究结果表明, p6BC12重组质粒在变铅青链霉菌TK24中的表达产物能以 $Y_3$ 变株产物为底物, 催化产生具有生物活性的物质(图7)。因此所克隆的基因是与硫霉素多肽前体环化有关的酶基因。

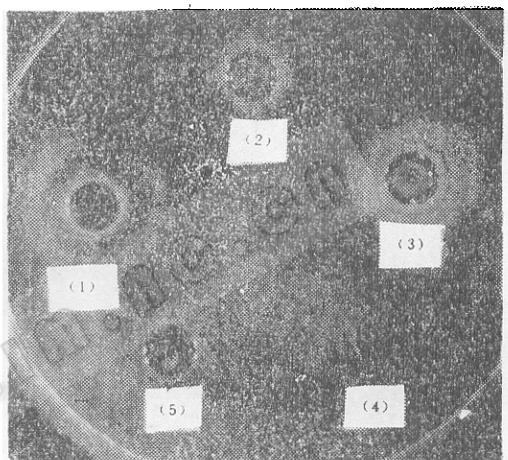


图7 p6BC12表达产物对 $Y_3$ 变株中产物的转化

Fig.7 Bioconversion of  $Y_3$  mutant product by p6BC12 expression product in *S. lividans* TK24  
 (1) *S. lividans* TK24(containing p6BC12/ $Y_3$ );  
 (2) *S. lividans* TK24(containing pJJ680)/ $Y_3$ ;  
 (3)  $Y_3$  product as control; (4) *S. lividans* TK24(containing p6BC12) as control; (5) *S. lividans* TK24(containing pJJ680) as control

## 参 考 文 献

- [1] Kahan J. S. et al.: *J. Antibiot.*, 32:1--12, 1979.
- [2] James R. et al.: *Genetic & Molecular Biology of Industrial Micro-organisms*, pp.246—255, 1989.
- [3] Dor. Shiffman et al.: *Mol. Gen. Gene*, 214:562—569, 1988.
- [4] Fishman S. E. et al.: *Natl. Acad. Sci. USA*, 84:8748—8752, 1987.
- [5] Jacqueline P. et al.: *Appl. Microbiol. Biotechnol.*, 32:560—567, 1990.
- [6] Hopwood D. A. et al.: *Genetic Manipulation of Streptomyces*, A laboratory Manual., 1985.
- [7] Sambrook J. et al.: *Molecular cloning*, A laboratory manual. second edition, Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1989.
- [8] Ikuo Kojima et al.: *J. Antibiot.*, 41:899—907, 1988.
- [9] Christopher R. Bailey et al.: *J. Gene. Microbiol.*, 132:2945—2947, 1986.
- [10] Joanne M. W. et al.: *CRC Crit. Rev. Biotechnol.*, 4:111—131, 1986.
- [11] Joanne M. W. et al.: *J. Biolog. Chem.*, 263:4637—4647, 1988.

## Cloning of Thienamycin Biosynthetase Genes from *Streptomyces cattleya* ATCC39203

Li Rongfeng Wang Yiguang Zeng Ying

(Institute of Medicinal Biotechnology, Chinese Academy of Medical Sciences, Beijing 100050)

A mutant  $Y_3$  blocked in thienamycin biosynthetic pathway was obtained from thienamycin producing strain *S. cattleya* ATCC39203 by NTG treatment. Preliminary cloning system has been established on the basis of studies on the conditions for protoplast formation, regeneration, as well as DNA transformation for  $Y_3$  mutant strain. The shot-gun cloning was carried out from *S. cattleya* using pIJ680 as a vector and the  $Y_3$  mutant as a host. A transformant No.12 that can produce thienamycin like substance by paper chromatography and HPLC analysis was obtained. A recombinant plasmid p6BC12 has molecular size of 9.8kb and an insert of 4.5kb could be recovered from *S. lividans* TK24 by transforming the DNA from transformant No.12 into it. The intermediate accumulated by  $Y_3$  mutant was identified as a tetrapeptide. We presume that a cyclase gene from *S. cattleya* was cloned according to the function of the gene product. Southern and DNA dot hybridization confirmed that the transformant No.12 harbors the recombinant plasmid p6BC12 and the insert in p6BC12 was come from *S. cattleya* genome.

**Key words** Thienamycin; biosynthetase genes; blocked mutant; host system of cloning; shot-gun cloning