

水稻白叶枯病菌的母株与单细胞系的遗传与致病性差异的分析

邱并生

(《微生物学通报》编委会 北京 100101)

由水稻白叶枯病菌(*Xanthomonas oryzae* pv. *oryzae*)引发的稻白叶枯病是水稻生产上的重要病害。水稻白叶枯菌自然群体是由包括基本无毒性的弱毒菌在内的不同致病型组成的混合群体,代表自然群体的原始菌株的致病力与其毒力结构紧密相关。常规划分的致病型,是田间病菌群体毒力结构的表型反应;稻株发病程度,是在一定生态条件下,不同毒力的多细胞入侵和协同互作的结果。遗传分群与菌株的致病性之间及地理来源具有一定的相关性。

本期介绍了郑伟、刘小辉、成国英、林兴华等发表的《中国、日本和菲律宾水稻白叶枯病菌的母株与单细胞系的遗传与致病性差异的分析》文章^[1]。作者利用国内外广泛应用的IS-PCR和Rep-PCR技术对来自中国、日本和菲律宾水稻白叶枯病原菌致病型代表菌株的母株及其单细胞系进行遗传多样性研究,从分子水平上探讨母株和单细胞系之间是否存在差异。结果表明多数的母株和单细胞系之间在田间致病性和分子水平上存在差异,期望为对抗病品种选育方针的制定以及抗病品种的合理布局和轮换、抗源的合理布局和交换提供一定的参考依据。

关键词: 水稻白叶枯病原菌, 单细胞系, 遗传变异, 毒力分化

参 考 文 献

- [1] 郑 伟, 刘晓辉, 成国英, 等. 中国、日本和菲律宾水稻白叶枯病菌的母株与单细胞系的遗传与致病性差异的分析. 微生物学通报, 2008, 35(12): 1892–1898.

The Variation of Genetic and Virulent of *Xanthomonas oryzae* pv. *oryzae* Strains and Mono-cell-clones

QIU Bing-Sheng

(The Editorial Board of Microbiology, Beijing 100101)

Keywords: *Xanthomonas oryzae* pv. *oryzae*, Mono-cell-clones, Genetic variation, Virulent differentiation